

版本号: DP250407

Order: 010-59822688

Toll-free: 800-990-6057 /400-810-6057 TIANGEN BIOTECH (BEIJING) CO., LTD

1

miRcute miRNA Isolation Kit

miRcute miRNA提取分离试剂盒

(离心柱型)

目录号: DP501

产品内容

| | 产品组成 | DP501 (50 preps) |
|--------|--|---------------------|
| DP 501 | 漂洗液RW(Buffer RW) | 12 ml |
| | 去蛋白液MRD(Buffer MRD) | 12 ml |
| | RNase-Free ddH₂O | 15 ml |
| | RNase-Free吸附柱miRspin(含2 ml收集管) (RNase-Free Columns miRspin set) | 50 套 |
| | RNase-Free吸附柱miRelute(含2 ml收集管) (RNase-Free Columns miRelute set) | 50 套 |
| | RNase-Free离心管(1.5 ml) (RNase-Free Centrifuge Tubes 1.5 ml) | 50 个 |
| RK149 | 裂解液MZ(Buffer MZ) | 60 ml |

备注: DP 501和RK149组分独立运输和储存。

储存条件

裂解液MZ应在2-8℃避光保存,可保存18个月; 其他溶液和吸附柱室温(15-30℃)保存,可保存15个月。

产品简介

miRNA提取分离试剂盒是专门针对miRNA提取而开发的新一代产品,同时还可以提取 small interfering RNA (siRNA), small nuclear RNA (snRNA) 等small RNA,也可以用于Total RNA的提取。该试剂盒中的裂解液是经过长时间研发改良的,具有更强的的裂解能力和更高的提取灵敏度,试剂盒中的吸附柱采用特殊的硅基质膜填料,大大增强了其对RNA的吸附能力,尤其是small RNA (<200 nt)。得到的RNA纯度更好,质量更高。该试剂盒适用于各种样本(细胞,动物组织,植物组织,血清,血浆)中RNA的提取,每个吸附柱每次可处理30-50 mg动物组织(RNA含量高的组织,如肝脏不能超过30 mg),100 mg植物组织或1×10⁷细胞。1 h内即可完成所有操作,提取的RNA基本没有DNA和蛋白污染,可用于Northern Blot、Dot Blot、PolyA 筛选、体外翻译、RNase保护分析和分子克隆。

注意事项

预防RNase污染,应注意以下几方面

- 1. 经常更换新手套。因为皮肤经常带有细菌,可能导致RNase污染。
- 2. 使用无RNase的塑料制品和枪头避免交叉污染。
- 3. RNA在裂解液中不会被RNase降解。但提取后继续处理过程中应使用不含RNase的塑料和玻璃器皿。玻璃器皿可在150℃烘烤4 h,塑料器皿可在0.5 M NaOH中浸泡10 min,然后用水彻底清洗,再灭菌,即可去除RNase。
- 4. 配制溶液应使用无RNase的水(将水加入到干净的玻璃瓶中,加入DEPC至终浓度0.1%(v/v),放置过夜,高压灭菌)。

操作步骤

第一次使用前应在漂洗液RW和去蛋白液MRD中加入无水乙醇,加入量请参见瓶上标签。

一、组织或细胞中miRNA富集部分的提取

对miRNA的纯度要求较高时,比如在研究miRNA芯片、miRNA克隆时建议采用此方法。

- 1. 样品处理
 - a. 组织:将组织在液氮中磨碎。每30-50 mg动物组织或者100 mg植物组织加1 ml裂解 液MZ,用匀浆仪进行匀浆处理。样品体积不应超过裂解液MZ体积的十分之一。
 - b. 单层培养细胞: 直接在培养板中加入裂解液MZ裂解细胞,每10 cm²面积加1 ml MZ。 用取样器抽打几次。

注意: 裂解液MZ的加入量根据培养瓶面积决定,不是由细胞数决定。如果加量不足,可能导致提取的RNA中有DNA污染。

- c. 细胞悬液: 离心2,100 rpm (~400×g) 5 min取细胞,弃上清。加入1 ml裂解液MZ,振荡器振荡或移液器吸打数次混匀。加裂解液MZ前不要洗涤细胞,以免降解mRNA。
- 2. 将匀浆样品在室温放置5 min, 使得核酸蛋白复合物完全分离。
- 3. **可选步骤:** 4°C 12,000 rpm (~13,400×g) 离心5 min, 取上清, 转入一个新的无RNase的 离心管中。

注意:如果样品中含有较多蛋白、脂肪、多糖或肌肉、植物结节部分等,可加此步骤离心去除。离心得到的沉淀中包括细胞外膜、多糖、高分子量DNA,RNA存在于上清溶液中。

- 4. 加入200 µl氯仿,盖好管盖,剧烈振荡15 sec,室温放置5 min。
- 5. 4°C 12,000 rpm (~13,400×g) 离心15 min,样品会分成三层: 黄色的有机相,中间层和无色的水相,RNA主要在水相中,水相的体积约为所用裂解液MZ试剂的50%。把水相转移到新管中,进行下一步操作。

- 6. 量取转移液的体积,缓慢加入转移液体积0.43倍的无水乙醇(如:500 μl的转移液加215 μl无水乙醇),混匀(此时可能会出现沉淀)。将得到的溶液和沉淀一起转入向吸附柱miRspin中,室温12,000 rpm (~13,400×g) 离心30 sec,若一次不能将全部溶液和混合物加入向吸附柱miRspin中,请分两次转入,离心后弃掉向吸附柱miRspin,保留流出液。
- 7. 量取流出液的体积,缓慢加入流出液体积0.75倍的无水乙醇(如: 700 μl的流出液加525 μl无水乙醇),混匀(此时可能会出现沉淀)。将得到的溶液和沉淀一起转入吸附柱 miRelute中,室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30 sec,若一次不能将全部溶液和混合 物加入吸附柱miRelute中,请分两次转入,离心后弃掉流出液,保留吸附柱miRelute。
- 向吸附柱miRelute中加入500 μl去蛋白液MRD (请先检查是否已加入乙醇), 室温静置 2 min, 室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30 sec, 弃废液。
- 向吸附柱miRelute中加入500 μl漂洗液RW (请先检查是否已加入乙醇) ,室温静置 2 min, 室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30 sec, 弃废液。
- 10. 重复操作步骤9。
- 11. 将吸附柱miRelute放入2 ml收集管中, 室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心1 min, 去除残 余液体。

注意:此步骤目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除,离心后将吸附柱miRelute在室温放置片刻,或置于超净工作台上通风片刻,以充分晾干。如果有漂洗液残留,可能会影响后续的RT等实验操作。

12. 将吸附柱miRelute转入一个新的RNase-Free 1.5 ml离心管中,加15-30 μl RNase-Free ddH₂O,室温放置2 min,室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心2 min。

注意:洗脱缓冲液体积不应少于15 µI,体积过小影响回收效率。且RNA应保存在-70℃,以防降解。注意:如果想提高RNA得率,可重复上步操作一次。

二、 组织或细胞中Total RNA的提取

对miRNA的纯度要求不高时,比如在研究miRNA RT-PCR、miRNA Northern blot时也可以采用此方法。

- 1. 样品处理(同一、组织或细胞中miRNA富集部分的提取步骤-1)。
- 2. 同一、组织或细胞中miRNA富集部分的提取步骤-2。
- 3. 同一、组织或细胞中miRNA富集部分的提取步骤-3。
- 4. 同一、组织或细胞中miRNA富集部分的提取步骤-4。
- 5. 同一、组织或细胞中miRNA富集部分的提取步骤-5。
- 6. 量取转移液的体积,缓慢加入转移液体积1.5倍的无水乙醇(如:500 μl的转移液加750 μl无水乙醇),混匀(此时可能会出现沉淀)。将得到的溶液和沉淀一起转入吸附柱miRspin中,室温12,000 rpm (~13,400×g) 离心30 sec,若一次不能将全部溶液和混合物加入吸附柱miRspin,请分两次转入,离心后弃掉流出液,保留吸附柱miRspin。
- 有吸附柱miRspin中加入500 μl去蛋白液MRD (请先检查是否已加入乙醇)
 2 min, 室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30 sec, 弃废液。
- 6. 向吸附柱miRspin中加入500 μl漂洗液RW (请先检查是否已加入乙醇), 室温静置 2 min, 室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30 sec, 弃废液。
- 9. 重复操作步骤8。
- 10. 将吸附柱miRspin放入2 ml收集管中, 室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心1 min, 去除残 余液体。

注意:此步骤目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除,离心后将吸附柱miRspin在室温放置片刻,或置于超净工作台上通风片刻,以充分晾干。如果有漂洗液残留,可能会影响后续的RT等实验操作。

11. 将吸附柱miRspin转入一个新的RNase-Free 1.5 ml离心管中,加30-100 μl RNase-Free ddH₂O,室温放置2 min,室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心2 min。

洗脱缓冲液体积不应少于30 μl,体积过小影响回收效率。且RNA应保存在-70℃,以防降解。注意:如果想提高RNA得率,可重复上步操作一次。

三、全血、血清或血浆中miRNA富集部分的提取

- 1. 样品处理: 每200 μI全血、血清或血浆中加入等体积裂解液MZ,振荡器振荡混匀30 sec。
- 2. 室温放置5 min, 使得核酸蛋白复合物完全分离。
- 3. 室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心10 min, 取上清, 转入一个新的无RNase的离心管中。
- 4. 加入200 µl氯仿,盖好管盖,剧烈振荡15 sec,室温放置5 min。
- 5. 室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心15 min, 样品会分成三层: 黄色的有机相,中间层和 无色的水相,RNA主要在水相中,把水相转移到新管中,进行下一步操作。
- 6. 量取转移液的体积,缓慢加入转移液体积1/3体积的无水乙醇(如:300 μl的转移液加 100 μl无水乙醇),混匀(此时可能会出现沉淀)。将得到的溶液和沉淀一起转入吸附柱 miRspin,室温放置2 min, 室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30 sec, 离心后弃掉吸附柱 miRspin,保留流出液。
- 7. 量取流出液的体积,缓慢加入流出液体积2/3体积的无水乙醇(如: 300 μl的流出液加200 μl无水乙醇),混匀(此时可能会出现沉淀)。将得到的溶液和沉淀一起转入吸附柱miRelute,室温放置2 min,室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30 sec, 离心后弃掉流出液,保留吸附柱miRelute。
- 向吸附柱miRelute中加入500 μl去蛋白液MRD (请先检查是否已加入乙醇) , 室温静置 2 min, 室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30 sec, 弃废液。
- 向吸附柱miRelute中加入500 μl漂洗液RW (请先检查是否已加入乙醇)
 车温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心30 sec, 弃废液。
- 10. 重复操作步骤9。
- 11. 将吸附柱miRelute放入2 ml收集管中, 室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心1 min, 去除残 余液体。

注意:此步骤目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除,离心后将吸附柱miRelute在室温放置片刻,或置于超净工作台上通风片刻,以充分晾干。如果有漂洗液残留,可能会影响后续的RT等实验操作。

12. 将吸附柱miRelute转入一个新的RNase-Free 1.5 ml离心管中,加15-30 μl RNase-Free ddH₂O,室温放置2 min,室温 12,000 rpm (~13,400×g) 离心2 min。

注意: 洗脱缓冲液体积不应少于15 μ I,体积过小影响回收效率。且RNA应保存在-70°C,以防降解。如果想提高RNA得率,可重复上步操作一次;或者增加血清或血浆的样品量并成比例增加裂解液和氯仿的用量。



TIANGEN 官方微信,专业服务助力科研:

- 可视化操作指南
- 技术公开课合辑
 - T42 /BI 714
- 全线产品查询

- 在线专家客服
- 微信直播课堂
- 最新优惠活动

坚持 "CUSTOMER FIRST"理念 秉承"质量为天,服务为根"宗旨!

TIANGEN为您提供从样本处理, 核酸纯化到下游检测的整体解决方案

科研试剂

- 样本保护与处理
- 磁珠法外泌体系列
- 基因组 DNA 提取
- 质粒提取
- 总 RNA 提取
- DNA 产物纯化 / 胶回收
- PCR 系列

- NGS 文库制备
- 表观遗传学
- RT-PCR 系列
- 荧光定量 PCR 系列
- 克隆和点突变
- DNA 分子量标准
- 蛋白表达和检测

科研解决方案

- 快速分子克隆整体解决方案
- 基因表达分析快速解决方案
- 环境微牛物解决方案
- 复杂样本 RNA 解决方案