

版本号: NG230911

Order: 010-59822688

Toll-free: 800-990-6057 /400-810-6057 TIANGEN BIOTECH (BEIJING) CO., LTD

1

# TIANSeq Fragment/Repair/Tailing Module

# TIANSeq快速DNA片段化/末端修复/dA添加模块

目录号: NG301

#### 产品内容

产品组成	NG301-01 (24 rxn)	NG301-02 (96 rxn)
5×FEA Enzyme Mix	240 µl	960 µl
10×FEA Reaction Buffer	120 µl	480 µl
FEA Enhancer	120 µl	480 µl
Nuclease-Free ddH <sub>2</sub> O	1 ml	4×1 ml

# 储存条件

请将试剂盒置于-30~-15℃保存,避免反复冻融。保质期为一年。

## 产品简介

TIANSeq Fragment/Repair/Tailing Module是专门针对于illumina高通量测序平台所优化的预混酶模块,包含了DNA片段化、末端修复以及3'端dA尾添加所需的所有酶类,可将双链DNA片段化为小片段,并分别在片段化DNA两端添加5'-P和3'端dA,所得产物无需纯化,可直接通过TIANSeq Fast Ligation module(NG303-01/02)用于adapter的连接。该模块采用一步法的反应流程,省去了多步纯化步骤,可对微量DNA样本进行高效、快速的片段化、末端修复及dA尾添加,操作更加简便,文库转化效率更高。

适用范围:用于双链DNA的片段化、末端修复及3'端添加dA,适用于illumina高通量测序平台DNA文库构建。

适用样本量: 1 ng~1 µg DNA

## 推荐使用的其他试剂

- 1. TIANseq Fast Ligation Module (NG303-01/02)
- 2. TIANSeq NGS Library Amplification Module (NG304-01/02)
- 3. TIANSeq Dual-Index Adapter (Illumina) (NG216)
- 4. TIANSeq Size Selection DNA Beads (NG316-01/02/03)

# 产品特点

- 1. 单管酶促反应,一步完成双链DNA的片段化、末端修复、dA添加反应。
- 2. 高文库转化效率, DNA样本起始量可低至1 ng。

# 注意事项 请务必在使用本试剂盒之前阅读此注意事项

- 1. 操作过程请注意避免核酸样品和产物之间的交叉污染。
- 2. 请使用不含RNA酶或DNA酶的枪头、EP管进行试验。
- 3. 试验开始前,请清洁操作台,并使用RNA酶及DNA酶清除试剂,如RNase Away (Molecular BioProducts, Inc) 处理台面。确保没有RNA酶和DNA的污染。
- 4. 进行操作前,请确保PCR仪已经调试好并处于稳定的状态。
- 5. 试验前请仔细阅读说明书,如果需要暂停试验,或者无需立即进行下游试验。可根据说明书推荐将试验产物保存于-20℃并安排后续试验。
- 6. 由于使用本品所进行的片段化过程为酶促反应,故片段化过程对反应温度、反应时间、体系配制以及DNA上样量等因素较为敏感。强烈推荐用户按照本说明书所述步骤及优化的反应参数(如反应时间等)进行试验。

## 操作步骤

#### (一) 试验准备:

1. 在开始实验前,明确核酸的浓度及纯度至关重要,推荐上样量1 ng~1 μg DNA。DNA需溶解于以下溶液中:去离子水、10mM Tris、Buffer EB或LoTE(0.1×TE)等。

#### 注意:

- 确定上样DNA浓度至关重要,尤其在上样量低于100 ng时。推荐使用Qubit、 Picogreen或者其他染料法对DNA浓度进行准确定量。
- 请确认DNA溶液中不含阳离子及螯合剂。如果DNA溶解于1×TE或不确定DNA溶液中的EDTA浓度,请参照附录 I 所述步骤,使用TIANSeq Size Selection DNA Beads (NG316)进行纯化或参照附录III进行片段化处理。
- 2. 将各试剂置于冰上,5×FEA Enzyme Mix融化后用手指轻弹后混匀,不要涡旋。其余试剂可短暂涡旋混匀。

#### (二) 试验步骤

1. 照下表设置PCR仪反应程序。开启热盖,热盖温度设置为70℃。

反应步骤	反应温度	反应时间
1	4°C	1 min
2	32°C	3-24 min*
3	65°C	30 min
4	4°C	保持

\*注:确切的片段化反应时间需要根据DNA的实际上样量进行优化。下表1中列出10 ng、100 ng和1000 ng上样量DNA片段化所需的时间,用户可以依据此时间进行调整。调整过程中,我们推荐额外设置一个反应时间延长3 min以及一个缩短3 min的对照。这样有助于确定切割至所需片段大小时所需要的准确反应时间。关于片段化时长的更多建议,请参考附录II。

表1片段化时间选择表

片段化时间 (min) (32℃)				
DNA主峰大小	250 bp	350 bp	450 bp	550 bp
10 ng DNA上样量	24	16	14	10
100 ng DNA上样量	16	10	8	6
1000 ng DNA上样量	14	8	6	4

2. 请按下表配制反应体系,冰上操作,各组分加入后,请轻柔吸打混匀,注意不要涡旋。

当DNA上样量≥10 ng		
组分名称	体积(μl)	
10×FEA Reaction Buffer	5	
DNA样本	X	
Nuclease-Free ddH₂O	(35-X)	
总体积	40	

当DNA上样量<10 ng		
组分名称	体积(μl)	
10×FEA Reaction Buffer	5	
DNA样本	X	
FEA Enhancer	2.5	
Nuclease-Free ddH₂O	(32.5-X)	
总体积	40	

注:对于多个反应,请计算所需试剂的总体系并在此基础上增加体系10%,以避免因溶液转移过程中挂壁损失而造成分装反应数不足的问题。

- 3. 取1个新的200  $\mu$ l薄壁管置于冰上,向管中加入10  $\mu$ l 5×FEA enzyme Mix,随后将步骤2 中反应体系转移40  $\mu$ l至同一薄壁管中,轻柔吸打混匀10次。
- 4. 瞬时离心薄壁管,立刻置于已预冷至4℃的PCR仪中,并启动反应程序。
- 5. 当反应程序结束后,将薄壁管从PCR仪中取出并置于冰上。
- 6. 立即进入接头连接步骤,为保证连接效率,推荐使用TIANSeq Fast Ligation Module (NG303-01/02)。

# 附录I: DNA样品溶液中二价盐离子以及EDTA的去除

推荐使用TIANSeq Size Selection DNA Beads (NG316)进行样本纯化。

- 1. 将磁珠置于室温平衡20 min。
- 2. 涡旋使磁珠充分悬浮,吸取适量体积(根据样品情况而定,可参考所能收集到的最小片段条件,加入磁珠)磁珠结合液MB,加入DNA样品中,使用移液器轻柔吸打10次充分混匀。
  - 1) 200 bp以上的目的片段建议使用1×磁珠结合液进行纯化;

2) 200 bp以下的目的片段建议使用2×磁珠结合液进行纯化;

注: 若DNA样品体积小于50 μl, 请用无核酸酶的去离子水补足体积至50 μl。

- 3. 室温孵育5 min后,将反应管置于磁力架上5 min。待磁珠完全贴壁后,用移液器小心吸弃上清。
- 4. 将反应管置于磁力架上,用200~500 µl(没过磁珠即可)80%乙醇(现用现配)洗涤磁珠,用移液器轻轻吹打3~5次(不要吹散磁珠)。磁力架上静置30 sec后,用移液器小心吸弃上清。
- 5. 重复步骤4一次。
- 6. 将反应管置于磁力架上,打开离心管盖于室温条件下晾置5~10 min或至磁珠干燥为止。 注: 不要过分干燥磁珠,否则会造成得率降低。
- 7. 将离心管从磁力架中取出,加入适量体积洗脱缓冲液TB进行洗脱,使用移液器吹打充分混匀10次。室温静置5 min后,置于磁力架上5 min,待磁珠完全贴壁后,转移上清至新的离心管中,用于后续实验。

# 附录Ⅱ: 优化片段化处理时间

片段化反应时间需要根据DNA上样量进行优化,参考图1所示曲线选择反应时间。优化过程请使用将实际用于测序的DNA样品,这将有助于在测序时保证片段化过程的可重复性。初次优化时,我们推荐添加2个额外的反应时间,即依据图中曲线选择反应时间后,在此时间基础上分别延长和缩短3 min。若对片段大小有较精确的要求,可在此基础上继续对反应时间进行微调。在实际操作中,若DNA上样量≥100 ng,用户可在片段化步骤完成后即对反应效果进行评价。具体纯化方法可参照TIANSeq Size Selection DNA Beads(NG316)DNA纯化步骤。

对于上样量<10 ng的片段化反应,为了节省反应时间,我们推荐在每个反应体系中(50 µl)添加2.5 µl 的FEA Enhancer。反应时间则推荐使用图1中将10 ng DNA切割至特定片段大小所需时间的一半。例如:若期望DNA片段集中于350 bp,则加入FEA Enhancer后反应8min左右即可。

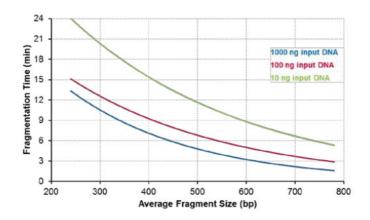


图1 不同DNA上样量经片段化后产出片段大小与反应时间对应曲线

# 附录Ⅲ: 1×TE溶液中DNA的片段化/末端修复/A尾添加

当DNA溶解于1×TE溶液中时,请参照以下步骤进行DNA的片段化/末端修复/A尾添加反应。

1. 按照下表设置PCR仪反应程序。请确认在反应中开启热盖。如有可能,请将热盖温度设置为70℃。

DNA上样量为1-1000 ng		
反应步骤	反应温度	反应时间
1	4°C	1 min
2	32°C	5-35 min*
3	65°C	30 min
4	4°C	保持

\*注:反应时间需根据DNA的实际上样量进行优化。若DNA上样量≥10 ng,反应体系中加入2.5 μl FEA Enhancer,推荐使用25 min作为起始反应时间,此时产生的片段主要集中于300-500 bp;若DNA上样量<10 ng,反应体系中加入5 μl FEA Enhancer,则推荐使用15 min作为起始时间,此时片段集中于300 bp。若需要进行调整,则请以3 min为单位,在原反应时间基础上进行增减,直至得到所需要的片段大小。

2. 请按下表配制反应体系,冰上操作,各组分加入后,请轻柔吸打混匀,注意不要涡旋。

当DNA上样量≥10ng		
组分名称	体积(μl)	
10×FEA Reaction Buffer	5	
DNA样本	X	
FEA Enhancer	2.5	
Nuclease-Free ddH₂O	(32.5-X)	
总体积	40	

当DNA上样量<10ng		
组分名称	体积(μl)	
10×FEA Reaction Buffer	5	
DNA溶液	X	
FEA Enhancer	5	
Nuclease-Free ddH <sub>2</sub> O	(30-X)	
总体积	40	

注:对于多个反应,请计算所需试剂的总体系并在此基础上增加体系10%,以避免因溶液转移过程中挂壁损失而造成分装反应数不足的问题。

- 3. 取1个新的200 μl薄壁管置于冰上,向管中加入10 μl 5×FEA enzyme Mix,随后将步骤2 中反应体系转移40 μl至同一薄壁管中,轻柔吸打混匀10次。
- 4. 瞬时离心薄壁管,立刻置于已预冷至4°C的PCR仪中,并启动反应程序。
- 5. 当反应程序结束后,将薄壁管从PCR仪中取出并置于冰上。
- 6. 立即进入接头连接步骤,为保证连接效率,推荐使用TIANSeq Fast Ligation Module (NG303-01/02)。



#### TIANGEN 官方微信,专业服务助力科研:

- 可视化操作指南
- 技术公开课合辑
- 全线产品查询

- 在线专家客服
- 微信直播课堂
- 最新优惠活动

# 坚持 "CUSTOMER FIRST"理念 秉承"质量为天,服务为根"宗旨!

# TIANGEN为您提供从样本处理, 核酸纯化到下游检测的整体解决方案

#### 科研试剂

- 样本保护与处理
- 磁珠法外泌体系列
- 基因组 DNA 提取
- 质粒提取
- 总 RNA 提取
- DNA 产物纯化 / 胶回收
- PCR 系列

- NGS 文库制备
- 表观遗传学
- RT-PCR 系列
- 荧光定量 PCR 系列
- 克隆和点突变
- DNA 分子量标准
- 蛋白表达和检测

# 科研解决方案

- 快速分子克隆整体解决方案
- 基因表达分析快速解决方案
- 环境微牛物解决方案
- 复杂样本 RNA 解决方案