
产品简介

注意事项 请务必在使用本试剂盒之前阅读此注意事项。

: ; ()

:

()	
()	

Carrier RNA储存液的配制

()

1 µg/ µl;

一、从少量血中提取基因组DNA

操作步骤

使用前请先在缓冲液GD和漂洗液PW中加入无水乙醇，加入体积请参照瓶上的标签。

注意：如果需要去除RNA，可加入5 μl RNase A (100mg/ml) 溶液(目录号：RT405-11)，振荡15 sec，室温放置5 min。

注意：加入缓冲液GB时可能会产生白色沉淀，一般56 $^{\circ}\text{C}$ 放置时会消失，不会影响后续实验。如溶液未变清亮，说明细胞裂解不彻底，可能导致提取DNA量少和提取出的DNA不纯。

(使用前请先检查是否已加入无水乙醇)，

(使用前请先检查是否已加入无水乙醇)，

注意：这一步的目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除，漂洗液中乙醇的残留会影响后续的酶反应（酶切、PCR等）实验。

注意：洗脱缓冲液体积不应少于20 μl ，体积过小影响回收效率。为增加基因组DNA的得率，可将离心得到的溶液再次加入吸附柱CR2中，室温放置2 min，12,000 rpm (~13,400 \times g)离心2 min。洗脱液的pH值对于洗脱效率有很大影响。若用水做洗脱液应保证其pH值在7.0-8.5范围内，pH值低于7.0会降低洗脱效率；且DNA产物应保存在-20 $^{\circ}\text{C}$ ，以防DNA降解。

二、从干血点中提取基因组DNA

操作步骤

使用前请先在缓冲液GD和漂洗液PW中加入无水乙醇，加入体积请参照瓶上的标签。

注意：加入缓冲液GB时可能会产生白色沉淀，一般70℃放置时会消失，不会影响后续实验。如溶液未变清亮，说明细胞裂解不彻底，可能导致提取DNA量少和提取出的DNA不纯。

（使用前请先检查是否已加入无水乙醇），

（使用前请先检查是否已加入无水乙醇），

注意：这一步的目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除，漂洗液中乙醇的残留会影响后续的酶反应（酶切、PCR等）实验。

注意：洗脱缓冲液体积不应少于20 μl ，体积过小影响回收效率。为增加基因组DNA的得率，可将离心得到的溶液再次加入吸附柱CR2中，室温放置2 min，12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$)离心2 min。洗脱液的pH值对于洗脱效率有很大影响。若用水做洗脱液应保证其pH值在7.0-8.5范围内，pH值低于7.0会降低洗脱效率；且DNA产物应保存在 -20°C ，以防DNA降解。

三、从血清/血浆中提取循环核酸/游离核酸

操作步骤

使用前请先在缓冲液GD和漂洗液PW中加入无水乙醇，加入体积请参照瓶上的标签。

1 $\mu\text{g}/\mu\text{l}$,

注意：加入缓冲液GB时可能会产生白色沉淀，一般56℃放置时会消失，不会影响后续实验。如溶液未变清亮，说明细胞裂解不彻底，可能导致提取DNA量少和提取出的DNA不纯。

（使用前请先检查是否已加入无水乙醇），

（使用前请先检查是否已加入无水乙醇），

注意：这一步的目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除，漂洗液中乙醇的残留会影响后续的酶反应（酶切、PCR等）实验。

注意：洗脱缓冲液体积不应少于20 μl ，体积过小影响回收效率。为增加基因组DNA的得率，可将离心得到的溶液再次加入吸附柱CR2中，室温放置2 min，12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$)离心2 min。洗脱液的pH值对于洗脱效率有很大影响。若用水做洗脱液应保证其pH值在7.0-8.5范围内，pH值低于7.0会降低洗脱效率；且DNA产物应保存在 -20°C ，以防DNA降解。

注意：这一步的目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除，漂洗液中乙醇的残留会影响后续的酶反应（酶切、PCR等）实验。

注意：洗脱缓冲液体积不应少于20 μl ，体积过小影响回收效率。为增加基因组DNA的得率，可将离心得到的溶液再次加入吸附柱CR2中，室温放置2min，12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$)离心2 min。洗脱液的pH值对于洗脱效率有很大影响。若用水做洗脱液应保证其pH值在7.0-8.5范围内(可以用NaOH将水的pH值调到此范围)，pH值低于7.0会降低洗脱效率；且DNA产物应保存在 -20°C ，以防DNA降解。

五、从毛囊中提取基因组DNA

操作步骤

使用前请先在缓冲液GD和漂洗液PW中加入无水乙醇，加入体积请参照瓶上的标签。

请提前准备1M DTT溶液。

注意：裂解时间根据样本不同有所差异，一般毛发需要1 h；过夜消化也可，且过夜消化对整个实验没有太大影响。羽茎样本不会完全消化，对于未消化完全的羽茎样本，可以直接离心，取上清液进行后续实验。

300 μ l ， 1 μ g/ μ l () ， 。 ， 。 300 μ l ， 。 () ， ， ， 500 μ l (使用前请先检查是否已加入无水乙醇) ， ， ， 。

600 μ l (使用前请先检查是否已加入无水乙醇)，

注意：这一步的目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除，漂洗液中乙醇的残留会影响后续的酶反应（酶切、PCR等）实验。

注意：洗脱缓冲液体积不应少于20 μ l，体积过小影响回收效率。为增加基因组DNA的得率，可将离心得到的溶液再次加入吸附柱CR2中，室温放置2 min，12,000 rpm (~13,400 \times g)离心2 min。洗脱液的pH值对于洗脱效率有很大影响。若用水做洗脱液应保证其pH值在7.0-8.5范围内，pH值低于7.0会降低洗脱效率；且DNA产物应保存在-20 $^{\circ}$ C，以防DNA降解。

六、从微量组织中提取基因组DNA

操作步骤

使用前请先在缓冲液GD和漂洗液PW中加入无水乙醇，加入体积请参照瓶上的标签。

（使用前请先检查是否已加入无水乙醇），

（使用前请先检查是否已加入无水乙醇）

注意：这一步的目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除，漂洗液中乙醇的残留会影响后续的酶反应（酶切、PCR等）实验。

注意：洗脱缓冲液体积不应少于20 μ l，体积过小影响回收效率。为增加基因组DNA的得率，可将离心得到的溶液再次加入吸附柱CR2中，室温放置2 min，12,000 rpm (~13,400 \times g)离心2 min。洗脱液的pH值对于洗脱效率有很大影响。若用水做洗脱液应保证其pH值在7.0-8.5范围内，pH值低于7.0会降低洗脱效率；且DNA产物应保存在-20 $^{\circ}$ C，以防DNA降解。

七、从微切割样品中提取基因组DNA（包括福尔马林固定的微切割样品）

操作步骤

使用前请先在缓冲液GD和漂洗液PW中加入无水乙醇，加入体积请参照瓶上的标签。

μg/μl (

) ,

() 。

() ,

(使用前请先检查是否已加入无水乙醇) ,

(使用前请先检查是否已加入无水乙醇)

注意：这一步的目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除，漂洗液中乙醇的残留会影响后续的酶反应（酶切、PCR等）实验。

注意：洗脱缓冲液体积不应少于20 μl ，体积过小影响回收效率。为增加基因组DNA的得率，可将离心得到的溶液再次加入吸附柱CR2中，室温放置2 min，12,000 rpm ($\sim 13,400 \times g$)离心2 min。洗脱液的pH值对于洗脱效率有很大影响。若用水做洗脱液应保证其pH值在7.0-8.5范围内，pH值低于7.0会降低洗脱效率；且DNA产物应保存在 -20°C ，以防DNA降解。
