

版本号: NG181109

TIANSeq Fast DNA Library Kit (illumina)

TIANSeq快速DNA文库构建试剂盒 (illumina平台)

目录号: NG102

产品内容

产品组成	NG102-01 (24 rxn)	NG102-02 (96 rxn)
5 × ERA Enzyme Mix	240 μl	960 μl
10 × ERA Buffer	120 μl	480 μl
TIANSeq DNA Ligase	240 μl	960 μl
5 × Ligation Buffer	500 μl	2 × 1 ml
2 × HiFi PCR MasterMix	600 μl	4 × 600 μl
P5/P7 Primers Mix(10 μM each)	120 μl	480 μl
Nuclease-Free ddH ₂ O	1 ml	4 × 1 ml

储存条件

请将试剂盒置于-15~-25℃保存，避免反复冻融。保质期为一年。

产品简介

TIANSeq Fast DNA Library Kit (illumina) 是专门针对于illumina高通量测序平台所优化的DNA文库构建试剂盒。本产品可将经超声处理、化学处理、酶处理的片段化双链DNA或小片段DNA的末端修复和3'端dA尾添加在一管内一步法完成，同时所得产物无需纯化，可直接用于adapter的连接。另外，本试剂盒配备的PCR扩增试剂经过专门的优化，扩增所得DNA序列产量高，保真度好、无碱基偏好性。本产品采用一步法的反应流程，省去了多步纯化步骤，整个文库构建流程仅需2 hr；文库转化效率更高，可对微量DNA样本进行高效的文库构建。

适用范围：适用于illumina高通量测序平台DNA文库构建。

适用样本量：0.25 ng~1 µg DNA。

推荐使用的其他试剂

1. TIANSeq Single-Index Adapter (Illumina) (NG214-01/02/03)。
2. BECKMAN Agencourt AMPure XP磁珠。

产品特点

1. 单管酶促反应，一步完成双链DNA片段的末端修复、dA添加反应。
2. PCR富集过程不存在碱基偏好性，测序均一度好。
3. 高文库转化效率，DNA样本起始量可低至0.25 ng。

注意事项 请务必在使用本试剂盒之前阅读此注意事项

1. 操作过程请注意避免核酸样品和产物之间的交叉污染。
2. 请使用不含RNA酶或DNA酶的枪头、EP管进行试验。
3. 试验开始前，请清洁操作台，并使用RNA酶及DNA酶清除试剂，如RNase Away (Molecular BioProducts, Inc) 处理台面。确保没有RNA酶和DNA的污染。
4. 进行文库扩增前，请确保PCR仪已经调试好并处于稳定的状态。
5. 试验前请仔细阅读说明书，如果需要暂停试验，或者无需立即进行下游试验。可根据说明书推荐将试验产物保存于-20℃并安排后续试验。
6. 若使用本公司TIANSeq NGS Library Amplification Module进行DNA片段化，由于该产品所进行的片段化过程为酶促反应，故片段化过程对反应温度、反应时间、体系配制以及DNA上样量等因素较为敏感。强烈推荐用户按照本说明书所述步骤及优化的反应参数（如反应时间等）进行试验。

操作步骤

一、DNA片段化

本试剂盒不包含DNA片段化相关试剂。对于DNA的片段化过程，客户可在超声处理、化学处理和酶处理等常用方法中选择，具体操作请参考相关产品说明。

二、末端修复/A尾添加

(一) 试验准备：

1. 在开始实验前，需要明确核酸的浓度以及DNA需溶解于哪种溶剂中。

注：确定上样DNA浓度至关重要，尤其在上样量低于100 ng时。推荐使用Qubit、Picogreen或者其他染料法对DNA浓度进行准确定量。另外，请确认DNA溶于哪种溶剂，溶剂不同，则采用的处理方式也略有不同。

2. 将各试剂置于冰上，5×ERA Enzyme Mix融化后用手指后轻弹混匀，不要涡旋。其余试剂可短暂涡旋混匀。

(二) 试验步骤

1. 当DNA溶解于去离子水、10 mM Tris、Buffer EB或0.1×TE TE中，请使用如下步骤进行末端修复/A尾添加反应。

(1) 照下表设置PCR仪反应程序。开启热盖，热盖温度设置为70°C。

反应步骤	反应温度	反应时间
1	4°C	1 min
2	20°C	30 min
3	65°C	30 min
4	4°C	保持温度

- (2) 取1个的200 μl薄壁管，并按下表配制反应体系，冰上操作，各组分加入后，请轻柔吸打混匀，注意不要涡旋。

组分名称	体积 (μl)
10 × ERA buffer	5
DNA sample	X
Nuclease-Free ddH ₂ O	35-X
Total	40

注：对于多个反应，请计算所需试剂的总体积并在此基础上增加体系10%，以避免因溶液转移过程中因挂壁损失而造成分装反应数不足的问题。

- (3) 向步骤(2)的薄壁管中加入10 μl 5 × ERA Enzyme Mix，轻柔吸打6~8次混匀，注意不要涡旋。

注：此步骤需要保持在冰浴中进行。

- (1) 瞬时离心薄壁管，立刻置于已预冷至4℃的PCR仪中，并启动反应程序。
- (2) 当反应程序结束后，将薄壁管从PCR仪中取出并置冰上。
- (3) 即进入接头连接步骤。

2. 当DNA溶解于其他溶液中时，请确定溶液中的盐离子，尤其EDTA的浓度。EDTA对反应影响较大，如果不确定溶液中EDTA浓度或EDTA浓度较高，请使用TIANSeq Size Selection DNA Beads或AMPure® XP 磁珠对DNA进行纯化。纯化步骤如下：

- (1) 若DNA溶液体积小于50 μl，请用无核酸酶的去离子水补足体积至50 μl。
- (2) 加入90 μl（1.8倍体积）完全涡旋混匀的磁珠至DNA溶液中，吸打混匀。若DNA溶液体积大于50 μl，请根据DNA溶液的实际体积，加入1.8倍体积完全涡旋混匀的磁珠。
- (3) 室温孵育5 min后，将反应管置于磁力架上2~4 min收集磁珠，小心去除上清液。
- (4) 用200 μl 80%乙醇洗涤磁珠，将反应管置于磁力架上收集磁珠，弃去上清。重复此洗涤步骤一次。
- (5) 将反应管置于磁力架上，打开离心管盖于室温条件下晾置10 min或至磁珠干燥为止。
- (6) 加入45 μl 10 mM Tris-HCl (pH8.0) 使磁珠完全悬浮后，置磁力架上2 min。待磁珠贴壁后小心转移42.5 μl上清至新的离心管。
- (7) 使用Quibit、Picogreen或其他荧光定量方法测定纯化后的DNA浓度。
- (8) 按照实验步骤（二）中的步骤1进行末端修复/A尾添加。

二、接头连接

1. 末端修复/A尾添加反应结束以后，向此50 μ l反应体系中加入Y μ l的adapter溶液，轻柔吸打混匀后置冰上。

注意：本试剂盒中不含测序DNA adapter，请参考接头供应商提供的使用条件。推荐使用TIANSeq Single-Index Adapter (Illumina) (NG214-01/02/03)。为了达到较高的连接效率，我们推荐反应体系中DNA片段与adapter的摩尔比在10:1至200:1之间。

2. 按照下表所示各组分量配制反应体系，并将配制完成的反应体系轻柔混匀后置于冰上。

组分名称	体积 (μ l)
5 \times Ligation Buffer	20
TIANSeq DNA Ligase	10
Nuclease-Free ddH ₂ O	(20-Y)
总体积	(50-Y)

3. 将此配制好的(50-Y) μ l连接反应液加入至第1步准备的反应液中，轻柔吸打混匀，置于20 $^{\circ}$ C中反应15 min。

注意：此步骤如果使用PCR仪进行反应，请不要启动热盖。

4. 无需进行片段分选：向反应产物中加入0.8 \times 体积(80 μ l) TIANSeq Size Selection DNA Beads或AMPure[®] XP 磁珠进行纯化，具体步骤如下：

- (1) 将磁珠置于室温平衡20 min。
- (2) 涡旋使磁珠充分悬浮，加入80 μ l 磁珠至步骤3溶液中，充分吸打混匀。
- (3) 室温孵育5 min，将反应管置于磁力架上1~2 min。待磁珠完全贴壁后，用移液器吸弃上清。
- (4) 向反应管内加入200 μ l 80%乙醇，轻轻震荡混匀，洗涤磁珠，并用磁力架回收磁珠，弃上清。
- (5) 重复洗涤步骤(4)一次。
- (6) 将含有磁珠的反应管置磁力架上，开盖室温放置5~10 min，至晾干。

注：不要过分干燥磁珠，否则会造成得率降低。

(7) 加入25.5 μ l 10mM Tris-HCl (pH 8.0) 至离心管内并使用移液器轻轻吸打磁珠至充分悬浮。将反应管放置于磁力架上1~2 min, 只使磁珠完全贴壁后, 转移约23.5 μ l上清至新的离心管中, 用于后续的PCR富集实验。

注: 如果连接产物无需进行PCR富集, 可在步骤(7)中加入12.5 μ l的10 mM Tris-HCl (pH 8.0) 洗脱DNA, 并转移10 μ l纯化后的DNA用于后续的试验反应。如不立即使用, 请将样品冻存于-20 $^{\circ}$ C保存。

5. 进行片段分选: 请参考表1中两步筛选过程中的磁珠添加比例进行操作。

表1 片段筛选推荐磁珠用量

打断片段平均长度 (bp)		~ 100	~ 200	~ 300	~ 480	~ 780
文库片段平均长度(bp) (打断片段+接头)		~ 220	~ 320	~ 420	~ 600	~ 900
磁珠 用量	第一次筛选	0.7倍	0.6倍	0.5倍	0.4倍	0.3倍
	第二次筛选	0.1倍	0.1倍	0.1倍	0.1倍	0.1倍

使用TIANSeq Size Selection DNA Beads或Agencourt AMPure XP磁珠进行纯化, 具体步骤如下:

- (1) 将AMPure[®]XP磁珠置于室温平衡20 min。
- (2) 涡旋使磁珠充分悬浮, 按表2第一次筛选比例加入适当体积 Agencourt AMPure XP磁珠至接头连接步骤3溶液中 (100 μ l的连接产物), 充分吸打混匀。
- (3) 室温孵育5 min, 将反应管置于磁力架上1~2 min。待磁珠完全贴壁后, 用移液器小心吸取上清并转移至另一1.5 ml EP管中。
- (4) 加入上清0.1倍体积磁珠, 用枪头吹打混匀。
- (5) 室温孵育5 min, 将反应管置于磁力架上1~2 min。待磁珠完全贴壁后, 用移液器吸弃上清。
- (6) 向反应管内加入200 μ l 80%乙醇, 轻轻震荡混匀, 洗涤磁珠, 并用磁力架回收磁珠, 弃上清。

(7) 将含有磁珠的反应管置磁力架上，开盖室温放置5~10 min，至晾干。

注：不要过分干燥磁珠，否则会造成得率降低。

(8) 加入25.5 μ l 10 mM Tris-HCl (pH 8.0) 至离心管内并使用移液器轻轻吸打磁珠至充分悬浮。将反应管放置于磁力架上1~2 min，只使磁珠完全贴壁后，转移约23.5 μ l上清至新的离心管中，用于后续的PCR富集实验。

三、文库PCR富集

1. 将2 \times HiFi PCR MasterMix和P5/P7 Primers Mix(10 μ M each)置于冰上融化，短暂混匀。
2. 按下表设置PCR仪反应程序，开启热盖，温度设置于105 $^{\circ}$ C。

步骤	温度	时间	循环数
1	98 $^{\circ}$ C	2 min	1
2	98 $^{\circ}$ C	20 sec	6-12*
3	60 $^{\circ}$ C	30 sec	
4	72 $^{\circ}$ C	30 sec	
5	72 $^{\circ}$ C	1 min	1
6	4 $^{\circ}$ C	保持温度	1

***注：请根据DNA的质量和上样量确定PCR循环数。一般而言，对于100 ng、10 ng、1 ng 文库起始DNA，在进行PCR富集时分别需要扩增6、10、12个循环。如果在PCR富集之前经过片段大小筛选步骤(size-selection)，则建议在原有基础上再增加2~4个循环；如果DNA质量较差(比如提取于FFPE样品)，则建议在原有基础上再增加1~3个循环。**

3. 按照下表配制PCR体系，注意此步骤需于冰浴中操作。

组分名称	体积 (μ l)
2 \times HiFi PCR MasterMix	25
P5/P7 Primers Mix(10 μ M each)	5
总体积	30

4. 将纯化后的带有adapter的文库连接产物20 μ l转移至PCR管中，加入30 μ l步骤3中配制好的PCR反应液，轻柔吸打6~8次混匀。

注：配制反应体系时，请全程将反应管置于冰上进行操作。



TIANGEN 官方微信，专业服务助力科研：

- 可视化操作指南
- 技术公开课合辑
- 全线产品查询
- 在线专家客服
- 微信直播课堂
- 最新优惠活动

5. 瞬时离心后将PCR反应管置于PCR仪内，按步骤2反应程序进行扩增。
6. 当PCR样品温度降至4℃，将PCR产物取出并使用1×体积（50 μl）TIANSeq Size Selection DNA Beads或AMPure XP 磁珠进行纯化。
- (1) 将磁珠置于室温平衡20 min。
 - (2) 涡旋使磁珠充分悬浮，加入50 μl 磁珠至PCR产物中，充分吸打混匀。
 - (3) 室温孵育5 min，将反应管置于磁力架上1~2 min。待磁珠完全贴壁后，用移液器吸弃上清。
 - (4) 向反应管内加入200 μl 80%乙醇，轻轻震荡混匀，洗涤磁珠，并用磁力架回收磁珠，弃上清。
 - (5) 重复洗涤步骤(4)一次。
将含有磁珠的反应管置磁力架上，开盖室温晾干10 min至干燥为止。
注：不要过分干燥磁珠，否则会造成得率降低。
 - (6) 加入32.5 μl 10mM Tris-HCl (pH 8.0) 至离心管内并使用移液器吸打使磁珠充分悬浮。使用磁力架使磁珠充分贴壁后，转移30 μl上清至新的离心管中。
7. 上机测序前可使用凝胶电泳、qPCR定量或者Agilent生物分析仪对DNA文库质量进行鉴定。纯化后得到的DNA文库可保存于-20℃。